

経済産業省ライフサイエンス関連データベース に関するアンケート

ライフサイエンス分野における研究成果や研究データは既に数多く蓄積されてきており、内閣府に設置された総合科学技術会議等の場でも、統合データベースの必要性が議論されています。そこで(独)産業技術総合研究所バイオメディシナル情報研究センター分子システム情報統合チームでは、(社)バイオ産業情報化コンソーシアムと共同で平成20-22年度に経済産業省の支援を受け、「[経済産業省統合データベースプロジェクト](#)」を実施し、これまでに経済産業省関連機関により実施されたライフサイエンス分野の研究開発プロジェクトの成果等を整備した情報提供ポータルサイト「[MEDALS](#)」(METI database portal for life science)を公開しました。(<http://medals.jp/>)平成23年度より当チームでは経済産業省の支援を受け、「[経済産業省ライフサイエンスデータベースプロジェクト](#)」を実施し、更なる発展を目指しています。

◆調査対象◆

ユーザーのニーズに即したより良いポータルサイトの構築と研究成果の連携強化のため、このたび、**医学・薬学・生物学・農学・工学・情報系などの分野でライフサイエンス研究に携るデータベース利用者**を対象にアンケートを実施致します。

お手数ではありますが、以下のアンケートへのご協力をお願い申し上げます。可能な範囲でご回答いただければ幸いです。また、有効なご回答を頂いた方の中から先着で200名様に¥500分の[Amazonギフト券](#)を謝礼として贈らせて頂きます。Amazonギフト券を進呈させて頂く方は、残り**0名(目安)**です。

アンケートのご回答(全50問)には15-30分程度、要しますのでご協力ください。

[必須]は必須回答項目(22項目)になっております。全てご記入ください。

後日ご所属を確認をさせて頂くため、連絡先メールアドレスは所属機関のものをご記入下さい(フリーメール不可)。

なお、頂いたお客様のご意見・ご要望に対して個別に回答はいたしておりませんので、ご了承ください。

入力 -> 確認 -> 完了

I.あなたのご専門等について伺います。

問1[必須]

あなたの主な所属について伺います。

- 民間企業
 大学
 公的研究機関
 その他

クリア

問2[必須]

あなたの主な役職について伺います。

- 研究職
 技術職
 教員等(講義をする)
 学生(博士課程、修士課程、学部生)
 その他

クリア

問3[必須]

あなたの現在の主な専門分野について伺います。

- 医学系
 農学系
 理学系
 薬学系
 工学系
 情報系
 その他

クリア

問4[必須]

あなたの主な研究対象生物種について伺います。(複数回答可)

- ヒト
 霊長類
 哺乳類(霊長類以外)

クリア

- 脊椎動物(哺乳類以外)
- 動物(脊椎動物以外)
- 植物
- 微生物、菌類
- ウイルス
- その他の生物
- なし(特定の生物種を対象にしていない)

問5[必須]

あなたの研究において、実験(Wet)とデータベースや解析・ツールの利用(Dry)の割合はどれくらいでしょうか？最も当てはまるものをお選び下さい。

- Wet:Dry = 10 : 0/実験(Wet)のみ
- Wet:Dry = 9 : 1
- Wet:Dry = 8 : 2
- Wet:Dry = 7 : 3
- Wet:Dry = 6 : 4
- Wet:Dry = 5 : 5
- Wet:Dry = 4 : 6
- Wet:Dry = 3 : 7
- Wet:Dry = 2 : 8
- Wet:Dry = 1 : 9
- Wet:Dry = 0 : 10/データベースやツールの利用(Dry)のみ

クリア

問6[必須]

あなたの研究テーマを簡潔にご記入下さい。

一時保存

II. ライフサイエンス分野のデータベースについて伺います。

問7

ライフサイエンス分野のデータベースを用いた情報収集の際、情報源(DBなど)として何を利用していますか？頻度をお選び下さい。また、これらのデータベースのうち使用した事があるものについては「使える度」の印象をお選び下さい。

	頻度			印象				
	月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	大変使える	使える	普通	使えない	全く使えない
CCDS	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
ChEBI	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Cyanobase	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
dbSNP	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
DDBJ/EMBL/GenBank	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
DrugBank	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
eggNOG	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Ensembl	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Entrez Gene	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Evola	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
FANTOM	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
FlyBase	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
GeneCards	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
GEO	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Gene ontology (GO)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
HGPD	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
H-InvDB	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

HomoloGene	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Human Protein Atlas	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
iHOP	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
InParanoid	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
InterPro	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
KEGG	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
KOG/COG	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
MGI	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
OMIM	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
OrhtoMCL	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PDB/PDBe/PDBj	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PLAN2L Protein Atlas	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PubChem	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PubMed	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
RAP-DB	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Reactome	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
RefSeq	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
RGD	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
SGD	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
STRING	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
TAIR	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
UCSC Genome Browser	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
UniGene	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
UniProt (SwissProt/TrEMBL/PIR)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Wormbase	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Google	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Wikipedia	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

特に「使える」または「使えない」と思われるデータベースがあれば入力欄へ理由を添えてご記入下さい。

その他、ご利用の情報源(DBなど)があれば入力欄へご記入下さい。

クリア

一時保存

問8

ライフサイエンス分野のデータベースをどのような目的で閲覧していますか？(複数回答可)

- DNAやRNAの配列を調べる
- 遺伝子やタンパク質の機能を調べる
- 転写産物の配列を調べる
- 発現している組織を調べる
- 遺伝子多型を調べる
- オルソログを調べる
- 疾患関連情報を調べる
- 細胞内局在予測を見る
- タンパク質の立体構造を調べる
- 代謝パスウェイを調べる
- 文献情報入手する
- 配列の相同性検索を行う
- その他

クリア

問9 [必須]

ライフサイエンス分野のデータベースを主にどのようにして知りましたか？(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
- 公式サイト(JBiC, BIRC)
- 検索エンジン
- その他インターネットサイト
- 学術雑誌のニュース記事
- 論文
- パンフレット・新聞等
- 学会発表講演・デモ
- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- メールリングリスト
- Twitter
- その他

クリア

問10

ライフサイエンス分野のデータベースで不満に感じている点があればご記入下さい。

問11

ライフサイエンス分野のデータベースに関する情報で、充実が望まれる部分をお選び下さい。(複数回答可)

- DNA情報
- RNA情報
- 糖鎖情報
- タンパク質情報
- 遺伝子発現情報
- 疾患関係の情報
- 特許情報
- 産学連携情報
- 解析ツールの情報
- その他

クリア

問12 [必須]

「データ公開(研究成果の論文等での発表と実験・解析データの公開)」についてご意見を伺います。
データ公開についてどのように考えますか？

	感想				
	強くそう 思う	そう思 う	どちらともいえ ない	そう思わ ない	全くそう思わ ない
論文出版と関係なくデータ公開は速やかに行うべきだ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
論文出版と同時にデータ公開を行うべきだ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
国家予算(一部でも)で行ったプロジェクト研究の成果は完了時に公開すべきだ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
知財戦略が優先される場合はデータ公開しなくてよい場合がある	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

クリア

問13

特に次世代シーケンサー解析データにおいて、今後どのような解読・解析データが公開されると有用だと感じますか？(複数回答可)

- 遺伝子発現・制御解析(RNA-seq / CAGE-seq / SAGE-seq / TSS-seq / 転写因子 ChIP-seq / single-cell sequencing)
- 真核生物・モデル生物のゲノム解読(de novo genome assembly / de novo transcriptome assembly)
- 微生物応用(de novo genome assembly / metagenomics / rRNA-seq)
- エピジェネティクス解析(ChIP-seq / Bisulfite sequencing / HELP-seq / MeDIP-seq / MBD-seq / MNase-seq / FAIRE-seq)
- 多型解析(whole genome resequencing / targeted resequencing / exome)
- ゲノム構造解析(MNase-seq / HiC-seq / その他)
- NGS応用(遺伝マーカー探索 / QTL解析 / 遺伝地図の作成 / 物理地図の作成)
- その他

クリア

問14

「データ公開」について、データを利用する立場から自由にご要望・意見をお願いします。

問15 [必須]

「オープンアノテーションデータベース(wiki等の画面で誰でもコメントや更新が登録できるデータベース)についてご意見を伺います。

[例] [WikiGenes:遺伝子アノテーションデータベース](#)

[WikiPathway:パスウェイアノテーション](#)

[KazusaAnnotation: ソーシャル・ゲノム・アノテーションツール](#)

[Gene Ontology:遺伝子オントロジーアノテーション](#)

[EntrezGene/GeneRIF:遺伝子情報アノテーション](#)

[CIPRO: ホヤタンパク質データベース](#)

研究活動の一環として、オープンアノテーションに参加した事がありますか？

- 参加した事がある
- 興味はあるが参加した事はない
- 興味ない

クリア

問16

ご自分の専門分野のデータベースについて、オープンアノテーションに参加したいと思いませんか？

- はい
- いいえ

クリア

問17

「オープンアノテーション」について、参加する場合に特に気になる点について自由にご意見ををお願いします。

問18 [必須]

携帯端末(携帯電話やiPad等)でのデータベース利用についてご意見を伺います。

あなたの研究活動において、携帯端末でデータベースを利用していますか？

- 利用した事がある
- 興味はあるが利用したことはない
- 興味ない

クリア

問19

携帯端末でデータベースを利用するとしたら、どこで(場所)どのように(用途)利用したいですか？自由にご意見ををお願いします。

どこで(場所)どのように(用途):

問20 [必須]

解析ツール利用の受益者負担についてご意見を伺います。

現在有料の解析ツールを利用していますか？またその理由をお書き下さい。

- はい
- いいえ

理由:

クリア

問21 [必須]

データベース利用の受益者負担についてご意見を伺います。

現在有料のデータベースを利用していますか？またその理由をお書き下さい。

- はい
- いいえ

クリア

理由:

問22 [必須]

近年データベースや解析ツールの無料公開の維持が難しくなり、無料で公開されていたデータベースや解析ツールの利用が有料化(受益者負担)される事があります。このような状況についてどのように感じますか？

	感想				
	強く思う	そう思う	どちらともいえない	そう思わない	全く思わない
有料化に抵抗はないので、使用料を支払い使用継続する	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
別の無料データベースや解析ツールの利用を検討する	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
予算獲得のための署名やアンケート依頼があれば協力したい	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
維持予算を公的に確保して無料で公開してほしい	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

クリア

問23

「データベースや解析ツール利用の有料化(無料から有料への変更)」について自由にご意見をお願いします。

問24

あなたのライフサイエンス分野の研究活動の中で、もっとも時間を短縮したい業務はどのようなことですか？

問25

未来のライフサイエンス分野のデータベース利用について望むことがあれば、できるだけ具体的にご記入下さい。

一時保存

III. 冒頭でご説明した経済産業省関連ライフサイエンスDBポータルサイト「MEDALS」(<http://medals.jp/>)について伺います。

ポータルサイト(<http://medals.jp/>)では、過去の経済産業省関連のプロジェクトや研究内容を知らない利用者に既存の有用なデータを発掘する機会を提供するため、各種データベースやソフトウェアのカタログおよびアーカイブ(保存記録)として保管したデータ等を公開しています。

問26 [必須]

MEDALSをご存知でしたか？

- はい
- いいえ

クリア

問27

問26で”はい”を選んだ方にお伺いします。どのようにしてMEDALSを知りましたか？(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
- 公式サイト(JBiC, BIRC)
- 検索エンジン
- その他インターネットサイト
- 学術雑誌のニュース記事
- 論文
- パンフレット・新聞等
- 学会発表講演・デモ

クリア

- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- メーリングリスト
- Twitter
- その他

問28 [必須]

MEDALSを利用したことがありますか？ある場合は頻度をお選び下さい。

- 月に1回以上
- 3ヶ月に1回以上
- 何度か使った程度
- 利用したことがない

クリア

問29 [必須]

以下のポータルサイトMEDALSコンテンツを閲覧する頻度について伺います。また、興味のあるコンテンツを閲覧して頂き、感想をお選び下さい。

	頻度					感想	
	月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
経済産業省ライフサイエンス関連データベース便覧	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
経済産業省ライフサイエンス関連ツール便覧	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
経済産業省ライフサイエンス関連プロジェクト便覧	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
リンク自動管理システム	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
ID一括変換システム	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問30

これまでに利用したことのあるライフサイエンス分野のポータルサイトはありますか？該当するものがある場合は具体的な名称もご記入下さい。

- AgriTogo (<http://togo.dna.affrc.go.jp/>)
- BIOWEB (<http://www.bioweb.ne.jp/>)
- Jabion (<http://www.biportal.jp/ja/>)
- LSDB (<http://lifesciencedb.jp/>)
- NAR Database Summary Paper (<http://www.oxfordjournals.org/nar/database/cap/>)
- NBDC (<http://biosciencedbc.jp/>)
- WING (NBDCに統合)
- WINGpro (NBDCに統合・<http://wingpro.biosciencedbc.jp/dbpwiki/>)
- サイエンスポータル (<http://scienceportal.jp/>)
- その他

クリア

問31 [必須]

本ポータルサイト(MEDALS: <http://medals.jp/>)では、研究に役立つオリジナルツールとして「[新規関連文献お知らせツール PubMedScan](#)」を提供しています。PubMedScanはNCBI PubMedの医学生物学の学術文献中から、興味のあるトピックスで新規にPubMedに登録された文献を定期的に(毎日)メールでお知らせするツールです。

[PubMedScan](#)をご存じでしたか？

- はい
- いいえ

クリア

問32

[PubMedScan](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入下さい。

問33 [必須]

本ポータルサイト(MEDALS: <http://medals.jp/>)では、便覧中のデータベースに格納されているデータについて[横断検索システム](#)を開発し

2010年5月に公開しました([プレスリリース](#))。また、この横断検索システムでは文部科学省統合データベースプロジェクトと連携を図り、相互のデータについて利用可能にしています。

[横断検索システム](#)を利用したことはありますか？ある場合は利用頻度と感想をお選び下さい。

頻度					感想	
月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問34

[横断検索システム](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入下さい。

問35

本ポータルサイト(MEDALS: <http://medals.jp/>)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入下さい。

一時保存

IV. H-InvDB (<http://www.h-invitational.jp/>) の利用状況について伺います。

[H-InvDB](#)はヒトの遺伝子と転写産物を対象とした統合データベースです。ヒトの全ての転写産物の配列をあらゆるバイオインフォマティクスの手法で解析することにより、ヒト遺伝子の構造、選択的スプライシング変異体、機能性RNA、タンパク質としての機能などの精査されたアノテーション(注釈付け)情報を提供しています。

問36 **[必須]**

[H-InvDB](#)をご存知でしたか？

- はい
 いいえ

クリア

問37

問36で“はい”を選んだ方にお伺いします。どのようにしてH-InvDBを知りましたか？(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
 公式サイト(JBiC, BIRC)
 検索エンジン
 その他インターネットサイト
 学術雑誌のニュース記事
 論文
 パンフレット・新聞等
 学会発表講演・デモ
 イベント会場のデモ
 研究者同士の情報交換
 アンケート
 メーリングリスト
 Twitter
 その他

クリア

問38 **[必須]**

H-InvDBを利用したことがありますか？ある場合は頻度をお選び下さい。

- 月に1回以上
 3ヶ月に1回以上
 何度か使った程度
 利用したことがない

クリア

問39

H-InvDBの閲覧をどのような研究等に利用されているのか、差し支えない範囲でご記入下さい。

問40 [必須]

[H-InvDB Webサービス](#) (H-InvDBのデータをプログラムで利用することができる仕組み)を利用したことはありますか？ あるいは利用頻度と[利用マニュアル](#)の感想をお選び下さい。

頻度					利用マニュアルの感想	
月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問41

[H-Inv DB Webサービス](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入下さい。

問42

各サブシステムを閲覧する頻度について伺います。また、興味のあるサブシステムを閲覧して頂き、感想をお選び下さい。

	頻度					感想	
	月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
A Transcript view ・mRNAごとにアノテーションを見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
B Locus view ・遺伝子座ごとにアノテーションを見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
C Protein view ・タンパク質ごとにアノテーションを見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
D G-integra ・cDNA配列とゲノム配列の位置関係を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
E DiseaseInfo Viewer ・各遺伝子に関連する疾患など遺伝子の疾患関連情報を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
F H-ANGEL ・各遺伝子が発現している組織を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
G Evola ・ヒト-モデル生物のオルソログ情報を調べるページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
H PPI View ・ヒトのタンパク質間相互作用 (PPI: Protein-Protein Interaction) 情報を提供するページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
I Gene family/group view ・ヒト遺伝子ファミリーに関するアノテーション情報を提供するページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問43

検索システムの評価について伺います。検索システムの使いやすさと結果の表示(レイアウト等)について感想をお選び下さい。

	使いやすさ				結果の見やすさ			
	1 使 い や す い	2 わ り と 使 い や す い	3 や や 使 い に く い	4 使 い に く い	1 見 や す い	2 わ り と 見 や す い	3 や や 見 づ ら い	4 見 づ ら い
A Simple Search (キーワードや各種IDによる検索)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
B New Advanced Search (染色体番号や生物学的特長など16の検索コンテンツを組み合わせて検索できる複合検索)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
C 検索ナビ (様々な検索の仕方をユーザーに提示する検索ナビゲーション)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
D BLAST Search (配列を用いた相同性検索)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

クリア

問44

問43で使いやすさまたは結果の見やすさについて「3」「4」を選択された方に伺います。使いにくい、見づらいと思われる点やご要望など具体的にお書き下さい。

問45 [必須]

H-InvDBでは、H-InvDB遺伝子リスト特徴抽出ツールH-InvDB Enrichment Analysis Tool (HEAT: <http://hin.jp/HEAT/>)を公開しています。HEATはヒト遺伝子の集合(遺伝子リスト)に対して、その特徴を機械的に判定するデータマイニング・ツールです。

[HEAT](#)を利用したことはありますか？ある場合は利用頻度と感想をお選び下さい。

頻度					感想	
月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問46

HEAT解析にかける遺伝子の特徴として興味をお持ちの項目をご記入下さい。(複数回答可)

- 機能性ドメイン(InterPro)
- Gene Ontology (GO)
- 代謝経路(KEGG pathway)
- ゲノム位置情報(Chromosomal band)
- 遺伝子ファミリー(Gene family)
- タンパク質立体構造ドメイン(SCOP)
- 細胞内局在予測(Wolf PSORTによる)
- 組織特異的遺伝子発現(H-ANGELによる10組織カテゴリーへの分類)
- プロモータ領域の配列モチーフ(JASPAR)
- タンパク質間相互作用(PPI view)
- その他

クリア

問47

HEATに関して、ご感想・ご要望等を自由にご記入下さい。

問48

H-InvDBに関して、その他お気づきの点などご自由にご記入下さい。

一時保存

V. H-InvDBとの連携を行ったデータベースの利用状況について伺います。

平成20-22年度に実施した「[経済産業省統合データベースプロジェクト](#)」では、ヒト遺伝子のアノテーション統合データベース([H-Invitational DB: H-InvDB](#))を基礎として、糖鎖、機能性RNA、多型、文献情報等、経済産業省関連機関から産生されるデータベースの連携を進めてきました。

問49

H-InvDBと連携している各データベースを閲覧する頻度について伺います。また、興味のあるデータベースを閲覧して頂き、感想をお選び下さい。

	頻度					感想	
	月に1回以上	3ヶ月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	情報が十分にある
VarySysDB ・ヒト多型情報データベース [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
LEGENDA ・テキストマイニングデータベース [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
fRNAdb ・機能性RNAデータベース [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
UCSC Genome Browser for Functional RNA ・機能性RNAゲノムブラウザ [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
GGDB ・糖鎖関連遺伝子データベース [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
GlycoProtDB ・糖タンパク質データベース [説明]	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問50

これらのデータベースに関して、ご希望・ご要望を自由にご記入下さい。

一時保存

ご協力ありがとうございました。

[必須]当プロジェクトでは、[MEDALS](#)等を使用して感想をお寄せ頂く「MEDALSモニター」を募集しています。ご協力頂けますでしょうか。
[\[詳細\]](#)

- はい
 いいえ

[必須]H-InvDBメールマガジン配信の為の登録を希望しますか。[\[サンプル\]](#)

- はい
 いいえ

[必須]有効なご回答を頂いた方の中から先着200名様に謝礼を進呈させていただきますので、連絡先をご記入下さい。なお、ご所属を確認させて頂くため、連絡先メールアドレスは所属機関のものをご記入下さい(フリーメール不可)

お名前	<input style="width: 80%;" type="text"/>
-----	--

ご所属	<input type="text"/>
所属機関のメールアドレス (フリーメール不可)	<input type="text"/>

1. 個人情報の使用目的について

ご提供いただく個人情報(氏名、所属、メールアドレス)は下記の目的で使用させていただきます。

- 。アンケート調査に対する謝礼の送付

2. 個人情報の保管について

お客様の個人情報は原則として3ヶ月間保管いたします。登録から3ヶ月を過ぎたデータに関しては、自動的に削除、破棄することになっております。

3. お問い合わせについて

株式会社ダイナコム
住所: 千葉県美浜区中瀬2-6-1 WBG マリブイースト 25階
電話: 043-213-8131

[必須]上記の内容について

- 同意する 同意しない

内容確認

送信内容は [SSL](#) によって保護されます。