

経済産業省ライフサイエンス関連データベース に関するアンケート

ライフサイエンス分野における研究成果や研究データは既に数多く蓄積されてきており、内閣府に設置された総合科学技術会議等の場でも、統合データベースの必要性が議論されています。そこで(社)バイオ産業情報化コンソーシアムおよび(独)産業技術総合研究所バイオメディシナル情報研究センター分子システム情報統合チームでは、経済産業省の支援を受け、「経済産業省統合データベースプロジェクト」を実施し、これまでに経済産業省関連機関により実施されたライフサイエンス分野の研究開発プロジェクトの成果等を整備した情報提供ポータルサイト「MEDALS」(METI database portal for life science)を公開しました。(<http://medals.jp/>)

ユーザーのニーズに即したより良いポータルサイトの構築と研究成果の連携強化のため、お手数ではありますが、以下のアンケートへのご協力をお願い申し上げます。可能な範囲でご回答いただければ幸いです。また、ご回答頂いた方の中から先着で200名様に1,000円分のAmazonギフト券を謝礼として贈らせて頂きます。

なお、頂いたお客様のご意見・ご要望に対して個別に回答はいたしておりませんので、ご了承ください。

アンケートのご回答(全51問)には20分程度、要しますのでご協力ください。

[必須]は必須回答項目(22項目)となっております。全てご記入ください。

謝礼として **[Amazonギフト券](#)** を進呈させて頂く方は、残り **200名** です。

入力 -> 確認 -> 完了

I. あなたのご専門等について伺います。

問1[必須]

あなたの主な所属について伺います。

- 民間企業
- 大学
- 公的研究機関
- その他

クリア

問2[必須]

あなたの主な役職について伺います。

- 研究職
- 技術職
- 教員等(講義をする)
- 学生(博士課程、修士課程、学部生)
- その他

クリア

問3[必須]

あなたの現在の主な専門分野について伺います。

- 医学系
- 農学系
- 理学系
- 薬学系
- 工学系
- 情報系
- その他

クリア

問4[必須]

あなたの主な研究対象生物種について伺います。(複数回答可)

- ヒト、霊長類
- 哺乳類(霊長類以外)
- 脊椎動物(哺乳類以外)
- 動物(脊椎動物以外)
- 植物
- 微生物、菌類
- ウイルス
- その他の生物
- なし(特定の生物種を対象にしていない)

クリア

一時保存

II. ライフサイエンス分野のデータベースについて伺います。

問5[必須]

ライフサイエンス分野のデータベースを用いた情報収集の際、情報源として何を利用していますか。頻度をお選びください。

	頻度		
	月に1回以上	何度か使った程度	使ったことがない
dbSNP	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
DDBJ/EMBL/GenBank	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Ensembl	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Entrez Gene	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
FANTOM	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
GeneCards	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
GEO	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
GO	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
KEGG	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
MGI	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
OMIM	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PDB	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
PubMed	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
RefSeq	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

UCSC Genome Browser	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
UniGene	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
UniProt	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Google	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
Wikipedia	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

その他、ご利用の情報源(DBなど)があれば入力欄へご記入ください。

クリア

問6

ライフサイエンス分野のデータベースをどのような用途で閲覧していますか。(複数回答可)

- DNAやRNAの配列を調べる
- 遺伝子やタンパク質の機能を調べる
- 転写産物の配列を調べる
- 発現している組織を調べる
- 遺伝子多型を調べる
- オルソログを調べる
- 疾患関連情報を調べる
- 細胞内局在予測を見る
- タンパク質の立体構造を調べる
- 代謝パスウェイを調べる
- 文献情報を入手する
- 配列の相同性検索を行う
- その他

クリア

問7[必須]

ライフサイエンス分野のデータベースを主にどのようにして知りましたか。(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
- 公式サイト(JBiC, BIRC)
- 検索エンジン
- その他インターネットサイト
- 学術雑誌のニュース記事
- 論文
- パンフレット・新聞等
- 学会発表講演・デモ
- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- その他

クリア

問8

ライフサイエンス分野のデータベースで不満足に感じる点があればご記入ください。

問9

ライフサイエンス分野のデータベースに関する情報で、充実が望まれる部分をお選びください。
(複数回答可)

- DNA情報
- RNA情報
- 糖鎖情報
- タンパク質情報
- 遺伝子発現情報
- 疾患関係の情報
- 特許情報
- 産学連携情報
- 解析ツールの情報
- その他

クリア

問10

あなたのライフサイエンス分野の研究活動の中で、最も時間を短縮したい業務はどのようなことですか。

問11

未来のライフサイエンス分野のデータベース利用について望むことがあれば、ご記入ください。
例) 論文に書かれたプロトコール部分を選択して、いくつか条件を入力すると、実験を行うために必要な試薬リストと見積もり一覧が見られる、など。

一時保存

III. 冒頭でご説明した経済産業省関連ライフサイエンスDBポータルサイト「MEDALS」(<http://medals.jp/>)について伺います。

ポータルサイト(<http://medals.jp/>)では、過去の経済産業省関連のプロジェクトや研究内容を知らない利用者に既存の有用なデータを発掘する機会を提供するため、各種データベースやソフトウェアのカタログおよびアーカイブ(保存記録)として保管したデータ等を公開しています。

問12[必須]

MEDALSをご存知でしたか。

- はい
- いいえ

クリア

問13

問12で”はい”を選んだ方にお伺いします。どのようにしてMEDALSを知りましたか。(複数回答可)

メールマガジン(JBiC, H-InvDB)

公式サイト(JBiC, BIRC)

検索エンジン

その他インターネットサイト

学術雑誌のニュース記事

論文

パンフレット・新聞等

学会発表講演・デモ

イベント会場のデモ

研究者同士の情報交換

アンケート

その他

クリア

問14[必須]

MEDALSを利用したことがありますか。ある場合は頻度をお選びください。

月に1回以上

3ヶ月に1回以上

何度か使った程度

利用したことがない

クリア

問15

以下のポータルサイトMEDALSコンテンツの中で、利用したいものや興味のあるものをお選びください。(複数回答可)

全て

【提供中】

経済産業省ライフサイエンス関連データベース便覧

経済産業省ライフサイエンス関連ツール便覧

新規関連文献お知らせツール(PubMedScan)

統合データベース(H-InvDB)

リンク自動管理システム

ID一括変換システム

【提供検討中】

アンケート調査結果

横断検索システム(文科省統合DBプロジェクト・本ポータルサイト便覧DBとの連携)

試薬・書籍等購入サイト

データベースの相関図

データリリース予定

データベース関連のニュース

便覧DB更新情報通知システム

研究プロジェクトの相関図

用語集

その他

クリア

問16[必須]

本ポータルサイトでは過去の経済産業省関連プロジェクトの様々な分野のデータについてアー

カイブ化を検討しています。そこでご興味のあるキーワードについて2件以上お選びください。

全て

【データ・データベース】

- アミノ酸配列パターンと物性
- 遺伝子ネットワーク
- 化学物質総合情報ライブラリー
- 化学物質と生体レセプター
- 癌細胞株アレイCGH
- ゲノム変異情報
- シロイヌナズナ遺伝子情報
- セルロース分解酵素遺伝子cDNA
- 組織別遺伝子発現・癌組織遺伝子発現
- タンパク質と低分子医薬品の相互作用
- 糖鎖合成関連遺伝子
- 糖鎖立体配置情報
- 毒性知識情報・代謝知識情報
- 日本人ゲノム多型
- 脳と脾臓のcDNAライブラリー
- ヒト胃がんIGCRライブラリー
- 未知微生物遺伝資源
- ラット毒性データ・遺伝子情報
- MSスペクトル
- siRNAライブラリー

【ツール・システム】

- 遺伝子領域予測
- 医用化合物スクリーニング支援
- 機能遺伝子の同定
- 細菌検出画像解析モジュール
- 疾患関連SNPs
- 転写因子同定支援
- 転写因子予測
- 糖鎖構造解析・糖鎖機能予測
- 糖鎖バーチャルスクリーニング
- 発ガン性予測
- 発現ネットワークモデル
- 発現頻度情報収集
- 発現プロファイルデータ解析
- 分子ネットワーク
- 薬物シミュレーション

【新規技術開発情報】

- アミノ酸配列の偏り検出アルゴリズム
- 幹細胞の効率的増殖技術
- 完全長cDNA情報処理
- 細胞内1分子イメージング顕微鏡
- 組織別変異ラットの作成・解析
- 高効率変異マウス作成法
- 定位的がん治療
- 二本鎖RNA発現ベクター構築
- 2色蛍光検出
- 複数遺伝子変異マウス作成法

マイクロ電気泳動

クリア

問17

これまでに注目したことのあるライフサイエンス分野のポータルサイトはありますか。

- [BIOWEB](#)
- [DBCLS](#)
- [Jabion](#)
- [MEDALS](#)
- [NAR Database Summary Papers](#)
- [WING](#)
- [WINGpro](#)
- その他

クリア

問18

本ポータルサイトでは、便覧中のデータベースに格納されているデータについて横断検索システムを開発しています。また、この横断検索システムでは文部科学省統合データベースプロジェクトと連携を図り、相互のデータについて利用可能にする予定です。横断検索システムに関して、ご希望・ご要望を自由にご記入ください。

問19

本ポータルサイト(MEDALS: <http://medals.jp/>)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入ください。

一時保存

IV. H-InvDB (<http://www.h-invitational.jp/>) の利用状況について伺います。

H-InvDBはヒトの遺伝子と転写産物を対象とした統合データベースです。ヒトの全ての転写産物の配列をあらゆるバイオインフォマティクスの手法で解析することにより、ヒト遺伝子の構造、選択的スプライシング変異体、機能性RNA、タンパク質としての機能などの精査されたアノテーション(注釈付け)情報を提供しています。

問20[必須]

H-InvDBを利用したことがありますか。ある場合は頻度をお選びください。

- 月1回以上
- 3ヶ月に1回以上
- 何度か使った程度
- 利用したことがない

クリア

問21[必須]

問20で“利用したことがある”を選んだ方にお伺いします。どのようにしてH-InvDBを知りましたか。(複数回答可)

メールマガジン(JBiC, H-InvDB)

公式サイト(JBiC, BIRC)

検索エンジン

その他インターネットサイト

学術雑誌のニュース記事

論文

パンフレット・新聞等

学会発表講演・デモ

イベント会場のデモ

研究者同士の情報交換

アンケート

その他

クリア

問22

H-InvDBでは、トップページやドキュメントなど一部のページを英語と日本語の両方で提供しています。日本語化に関するご意見やご要望がありましたらお聞かせください。

問23

H-InvDBの閲覧をどのような研究等に利用されているのか、差し支えない範囲でご記入ください。

問24[必須]

[H-InvDBウェブサービス](#) (H-InvDBのデータをソフトウェアから利用することができる機能)を利用したことはありますか。ある場合は利用頻度と感想をお選びください。

頻度					感想		
月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問25

[H-Inv DBウェブサービス](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入ください。

問26[必須]

各サブシステムを閲覧する頻度について伺います。また、興味のあるサブシステムを閲覧して頂き、感想をお選びください。

	頻度					感想		
	月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	知らない	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
A Transcript/Locus view ・cDNAや遺伝子座ごとにアノテーションを見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
B G-integra ・cDNA配列とゲノム配列の位置関係を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
C DiseaseInfo Viewer ・各遺伝子に関連する疾患など遺伝子の疾患関連情報を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
D H-ANGEL ・各遺伝子が発現している組織を見るページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
E Evola ・オルソログ情報、同義置換、非同義置換を調べるページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
F PPI view ・ヒトのタンパク質間相互作用 (PPI:Protein-Protein Interaction) 情報を提供するページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
G Gene family/group view ・ヒト遺伝子ファミリーに関するアノテーション情報を提供するページ	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問27[必須]

検索システムの評価についてお伺いします。検索システムの使いやすさと結果の表示(レイアウト等)について感想をお選びください。

	使いやすさ	結果の見やすさ
	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

	1 使い やすい	2 わり と使 い やす い	3 や 使 い に く い	4 使 い に く い	1 見 やす い	2 わり と見 やす い	3 や 見 づ ら い	4 見 づ ら い
A Simple Search ・キーワードや各種IDによる検索	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
B Advanced Search ・染色体番号や生物学的特長など複数の条件で絞れる検索	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
C Navi ・様々な検索の仕方をユーザに提示	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>
D BLAST Search ・配列を用いた相同性検索	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>

クリア

問28

問27で「3」「4」を選択された方に伺います。不十分だと思われる点やご要望など具体的にお書きください。

問29

2009年4月に、H-InvDBでは、H-InvDB遺伝子リスト特徴抽出ツールH-InvDB Enrichment Analysis Tool (HEAT: <http://hinv.jp/HEAT/>)を新たに公開致しました。HEATはヒト遺伝子の集合(遺伝子リスト)に対して、その特徴を機械的に判定するデータマイニング・ツールです。解析にかける特徴として興味をお持ちの項目をお選びください。(複数回答可)

- 機能性ドメイン(InterPro)
- Gene Ontology (GO)
- 代謝経路(KEGG pathway)
- ゲノム位置情報(Chromosomal band)
- 遺伝子ファミリー(Gene family)
- タンパク質立体構造ドメイン(SCOP)
- 細胞内局在予測(Wolf PSORTによる)
- 組織特異的遺伝子発現(H-ANGELによる10組織カテゴリーへの分類)
- その他

クリア

問30

HEATに関して、ご感想・ご要望等を自由にご記入ください。

問31

H-InvDBについて、その他お気づきの点などご自由にご記入ください。

一時保存

V. H-InvDBとの連携を進めている機能性RNAプロジェクト

(<http://www.ncrna.org/>)のデータベースの利用状況について伺います。

fRNAdb(機能性RNAデータベース)およびUCSC Genome Browser for Functional RNA (機能性RNA向けUCSCゲノムブラウザ)は、新規機能性RNAの発見と機能解析を支援し、ゲノム情報の制御関係を解明するための情報基盤となる機能性RNAデータベースです。

問32[必須]

fRNAdb およびUCSC Genome Browser for Functional RNA を閲覧する頻度と感想について伺います。使ったことのない方は実際に閲覧して頂き、感想をお選びください。

	頻度					感想		
	月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
fRNAdb (http://www.ncrna.org/frnadb/)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No
UCSC Genome Browser for Functional RNA (http://www.ncrna.org/glocal/cgi-bin/hgGateway)	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問33

どのようにしてfRNAdb/UCSC Genome Browser for Functional RNAを知りましたか。(複数回答可)

メールマガジン(JBiC, H-InvDB)

公式サイト(JBiC, BIRC)

検索エンジン

その他インターネットサイト

学術雑誌のニュース記事

論文

パンフレット・新聞等

- 学会発表講演・デモ
- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- その他

クリア

問34[必須]

[fRNAdbウェブサービス](#) (fRNAdbのデータをソフトウェアから利用することができる機能)を2008年12月に新たに公開致しました。[fRNAdbウェブサービス](#)を利用したことはありますか。ある場合は利用頻度と感想をお選びください。

頻度					感想		
月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問35

[fRNAdbウェブサービス](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入ください。

問36[必須]

現在利用可能なmRNAやESTの配列情報は、細胞内の全ての転写物を解明するのに十分な情報を提供していると思いますか。

- 強くそう思う
- ややそう思う
- あまり思わない
- まったく思わない

クリア

問37

第3世代シーケンサーの実用化が大きな注目を集めています。この新技術の活用によって、現在利用可能なmRNAやESTの配列情報をより信頼性の高いものに更新することで、より精度の高い転写情報を得ることができると思いますか。

- 強くそう思う
- ややそう思う
- あまり思わない
- まったく思わない

クリア

問38

細胞内の転写産物であなたにとって最も重要だと思うものは次のうちどれですか。

- 完全長cDNA
- mRNA
- EST
- アンチセンス
- non-coding RNA
- トランスポゾン
- タンデムリピート
- その他

クリア

問39

fRNAdb/UCSC Genome Browser for Functional RNA に期待することやご感想など、自由にご記入ください。

一時保存

VI. H-InvDBとの連携を進めている糖鎖関連遺伝子のデータベース GGDB (<http://riodb.ibase.aist.go.jp/rcmg/ggdb/>) の利用状況について伺います。

GGDB は、産業技術総合研究所・糖鎖医工学研究センターで独自に測定された糖転移反応に関する基質(糖鎖)、acceptor(糖鎖を受け取る分子)、生成物などの情報についてのデータベースです。

問40[必須]

GGDB を閲覧する頻度と感想について伺います。使ったことのない方は実際に関覧して頂き、感想をお選びください。

頻度					感想		
月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問41

どのようにしてGGDB を知りましたか。(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
- 公式サイト(JBiC, BIRC)

- 検索エンジン
- その他インターネットサイト
- 学術雑誌のニュース記事
- 論文
- パンフレット・新聞等
- 学会発表講演・デモ
- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- その他

クリア

問42[必須]

[GGDBウェブサービス](#) (糖鎖関連遺伝子データベース、GGDBのデータをソフトウェアから利用することができる機能)を2009年3月に新たに公開致しました。[GGDBウェブサービス](#)を利用したことはありますか。ある場合は利用頻度と感想をお選びください。

頻度					感想		
月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問43

[GGDBウェブサービス](#)に関して、ご希望・ご要望を自由にご記入ください。

一時保存

VII. H-InvDBとの連携を今年度進めている糖タンパク質データベース

GlycoProtDB

http://riodb.ibase.aist.go.jp/rcmg/glycodb/Glc_ResultSearchの利用状況について伺います。

糖タンパク質データベース(GlycoProtDB)は、実験的に同定されたN結合型糖タンパク質について、糖鎖付加位置などの情報を皆様に提供するためのデータベースで、現在、線虫(Strain N2)より同定された700種ほどの糖タンパク質データが公開されており、マウス(C52BL/6J系のオス)組織やヒト糖タンパク質のデータも将来公開を予定しています。

問44[必須]

GlycoProtDBを閲覧する頻度と感想について伺います。使ったことのない方は実際に閲覧して頂き、感想をお選びください。

頻度					感想		
月に一回以上	3ヶ月に一回以上	何度か使った程度	使ったことがない	初めて知った	画面が見やすい	用語がわかりやすい	情報が十分にある
<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/>	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No	<input type="radio"/> Yes <input type="radio"/> No

クリア

問45

興味あるタンパク質に糖鎖が付加されていることが予測あるいは判明したとき、どのような関連情報が必要とお考えになりますか?(複数回答可)

- 糖鎖付加部位 (Asn/Ser/Thr/etc)
- 糖鎖付加部位ごとの糖鎖構造
- 捕捉可能なレクチン
- シグナル配列や膜貫通領域の位置(予測含む)および糖鎖付加部位との相対位置
- 発現情報(組織)
- 細胞内局在
- 分子機能
- 相互作用パートナー
- ホモログ/オルソログ
- 疾患との関連
- その他

クリア

問46

GlycoProtDBに期待することやご感想など、自由にご記入ください。

問47

どのようにしてGlycoProtDBを知りましたか。(複数回答可)

- メールマガジン(JBiC, H-InvDB)
- 公式サイト(JBiC, BIRC)
- 検索エンジン
- その他インターネットサイト
- 学術雑誌のニュース記事
- 論文
- パンフレット・新聞等
- 学会発表講演・デモ

- イベント会場のデモ
- 研究者同士の情報交換
- アンケート
- その他

クリア

問48

日本にある糖鎖関連のデータベースについてご存知のものをお選びください。(複数回答可)

- KEGG Glycan
- GGDB(糖鎖関連遺伝子データベース)
- LipidBank(脂質データベース)
- GlycoEpitope(抗糖鎖抗体のデータベース)
- GALAXY(多次元HPLCデータベース)
- JCGGDB(日本糖鎖科学コンソーシアムのデータベース)
- その他

クリア

問49

糖鎖関連のキーワードについてご存知のものをお選びください。(複数回答可)

- GlycoGene(糖鎖関連遺伝子)
- 糖鎖
- N結合型糖鎖
- O結合型糖鎖
- 糖脂質
- プロテオグリカン(コンドロイチン、ヒアルロン酸、ヘパリン、フコイダン等)
- 多糖
- 複合糖質
- 糖タンパク質(ポテリジェント抗体、エリストポエチン、インターフェロン等)
- 糖転移酵素
- 硫酸転移酵素
- レクチン(リシン、白インゲン豆、ジャッカリン等)
- 糖鎖関連バイオマーカー(糖タンパク質の抗原:PSA、CEA、Mucin 等)

クリア

問50

糖鎖が関与している生命現象についてご存知のものをお選びください。(複数回答可)

- 癌
- 免疫
- 再生医療
- ウイルス感染
- 細菌感染
- 血液型(ABO型、ボンベイ型、ルイス型、P式、Ii式など)
- タンパク質の機能調節

クリア

問51

糖鎖業界の学会や団体などご存知のものをお選びください(複数回答可)

- 日本糖鎖科学コンソーシアム(JCGG)
- 糖鎖産業技術フォーラム(GLIT)
- 日本糖質学会
- 日本応用糖質学会
- 多糖の未来シンポジウム
- その他

クリア

ご協力ありがとうございました。

[必須] 謝礼として先着200名様に [Amazonギフト券](#) を進呈させていただきますので、ご連絡先をご記入ください。

お名前

所属

E-Mail

[必須] JBiCメールマガジン配信のための登録をしてもよろしいでしょうか。([サンプル](#))

- はい
- いいえ
- 登録済

[必須] H-InvDBメールマガジン配信のための登録をしてもよろしいでしょうか。([サンプル](#))

- はい
- いいえ
- 登録済

1.個人情報の使用目的について

ご提供いただく個人情報(氏名、所属、メールアドレス)は下記の目的で使用させていただきます。

- 経済産業省ライフサイエンス関連データベースに関するアンケート結果の集計及び分析
- アンケート調査に対する謝礼の送付

2.個人情報の保管について

お客様の個人情報は原則として3ヶ月間保管いたします。登録から3ヶ月を過ぎたデータに関しては、自動的に削除、破棄することになっております。

3.お問い合わせについて

株式会社ダイナコム

住所: 千葉県茂原市茂原643

電話: 0475-25-8282

[必須]上記の内容について

- 同意する
- 同意しない

内容確認

送信内容は [SSL](#) によって保護されます。